

## Сведения

о ведущей организации по диссертации Семеновой Марины Андреевны  
«Молекулярный механизм взаимодействия нейтропротекторного белка нейтроглобина с цитохромом с»,  
представленной на соискание ученой степени  
кандидата биологических наук по специальности 1.5.3. – Молекулярная биология

| Полное и сокращенное наименование ведущей организации                                                                      | Почтовый адрес, телефон, адрес электронной почты, адрес официального сайта в сети Интернет                                                                             | Список основных публикаций сотрудников ведущей организации по теме диссертации в рецензируемых научных изданиях за последние 5 лет (не более 15 публикаций)                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                    |
|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <p>Федеральное государственное бюджетное учреждение науки Институт белка Российской академии наук (Институт белка РАН)</p> | <p>142290, Московская область, г. Пушкино, ул. Институтская, д. 4, +7 (495) 514-02-1, protres@vega.protres.ru, <a href="https://protres.ru">https://protres.ru</a></p> | <ol style="list-style-type: none"> <li>1. Siunov A.V., Melnik B.S., Nagel A.S., Andreeva-Kovalevskaya Z.I., Rudenko N.V., Karatovskaya A.P., Vetrova O.S., Zamyatina A.V., Brovko F. A., Solonin A.S. Arresting the activity of bacterial <math>\beta</math>-barrel pore-forming toxins by cysteine insertion mutagenesis in the homologous region. // Int. J. Mol. Sci. 2026. V. 27. P. 3590.<br/><a href="https://doi.org/10.3390/ijms27083590">https://doi.org/10.3390/ijms27083590</a></li> <li>2. Kalinin D.S., Latypov O.R., Melnik B.S., Shlyapnikov M.G., Gorshkova M.A., Titova E.N., Mayorov S.G., Stetoi A.F., Efimov A.V., Kajava A.V., Ziganshin R.H., Zemskova M.Y., Fedorov A.N., Granovsky I.E. Engineering of a complex of the DNase domain of colicin E9 with the immunity protein Im9 activated by the protease pS273R of African swine fever virus. // ACS Synth. Biol. 2025. V. 14. P. 3655-3670.<br/><a href="https://doi.org/10.1021/acssynbio.5c00398">https://doi.org/10.1021/acssynbio.5c00398</a></li> <li>3. Glyakina A.V., Suvorina M.Y., Dovidchenko N.V., Katina N.S., Surin A.K., Galzitskaya O.V. Exploring compactness and dynamics of apomyoglobin. // Proteins. 2025. V. 93. P.</li> </ol> |

- 997-1008. <https://doi.org/10.1002/prot.26786>
4. Melnik B.S., Glukhova K.A., Sokolova (Voronova) E.A., Balalaeva I.V., Garbuzynskiy S.O., Finkelstein A.V. Physics of ice nucleation and antinucleation: action of ice-binding proteins. // *Biomolecules*. 2024. V. 14. P. 54.  
<https://doi.org/10.3390/biom14010054>
  5. Rudenko N.V., Nagel A.S., Melnik B.S., Karatovskaya A.P., Vetrova O.S., Zamyatina A.V., Andreeva-Kovalevskaya Z.I., Siunov A.V., Shlyapnikov M.G., Brovko F.A., Solonin A.S. Utilizing extraepitopic amino acid substitutions to define changes in the accessibility of conformational epitopes of the bacillus cereus HlyII C-terminal domain. // *Int. J. Mol. Sci*. 2023. V. 24. P. 16437.  
<https://doi.org/10.3390/ijms242216437>
  6. Deeva A.A., Glukhova K.A., Isoyan L.S., Okulova Y.D., Uversky V.N., Melnik B.S. Design and analysis of a mutant form of the ice-binding protein from *Choristoneura fumiferana*. // *Protein J*. 2022. V. 41. P. 304-314. <https://doi.org/10.1007/s10930-022-10049-6>
  7. Melnik B.S., Katina N.S., Ryabova N.A., Marchenkov V.V., Melnik T.N., Karuzina N.E., Nemtseva E.V. Relationship between changes in the protein folding pathway and the process of amyloid formation: the case of bovine carbonic Anhydrase II. // *Int. J. Mol. Sci*. 2022. V. 23. P. 14645.  
<https://doi.org/10.3390/ijms232314645>
  8. Majorina M.A., Melnik T.N., Glukhov A.S., Melnik B.S. Some useful ideas for multistate

